分子機械に息を吹き込む「数理モデル」の提案



研究室

関新之助 Shinnosuke SEKI

がん剤を届けることなども可能で リコンチップを体内に埋め込むの 子機械)が注目されています。シ る、"柔らかいコンピュータ"(分 我々の身体を構成するDNAやた は現実的ではありませんが、例え の。硬いコンピュータ。に対して んぱく質などの物質に計算をさせ 人体のがん化した部分に直接、 シリコン半導体で作られた既存 DNAコンピュータならば、

助教はこの分野で、実験の土台と が、モノづくりを効率的に行うに な分子機械を作るために、

きた情報処理の仕組みを理解する ションともいうべきものは、 然が長い年月をかけて編み出して 関助教の研究に対するモチベー

分子の自己組織化とは

がけています。 と実践の融合を目指す」ことを心 研究は、ともすれば机上の理論に なりがちですが、関助教は実用的 なる理論を研究しています。理論 験を中心に活発に行われています うか。分子機械の研究は現在、実 どのように作られているのでしょ 「理論」が欠かせません。関新之助 では、柔らかいコンピュータは そこに最適な設計図を与える 「理論

な、「外部のコントロールを受け

水の分子が雪の結晶に変わるよう

れていないのだそうです。

論の研究は日本ではほとんど行わ 験の研究はあっても、こうした理

数学史上、最も長い証明

こと」にあります。それは、人工

助 組織化システム(一本鎖DNAか 果を挙げました。一つは、一般に ることは「計算量的に難しい」(関 らなる複合分子)を最適に設計す Aコンピュータを作るための自己 DNAタイル」と呼ばれる、DN (教) ことを証明したのです。 所 関助教は最近、二つの大きな成

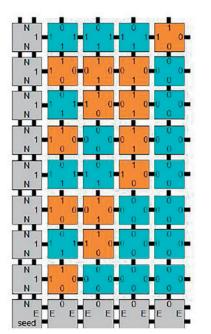
子の自己組織化(Molecular self: う。主な対象としているのが、「分 みとは必ずしも一致しないでしょ のコンピュータの情報処理の仕組

assembly)」と呼ばれる現象です。

分子の自己組織化とは、例えば

ることは、現実的には難しいこと 良いかという最適な「設計図」を得 が分かったのです。 た、どのように組み合わせるのが 望のDNAコンピュータを作る際 DNAタイルを何枚使い、ま

おける未解決問題の一つであり、 「DNAタイルによるパターン組 これは理論計算機科学の世界に



ルで表し、理論的に解析するのが

こうした自然界の現象を数理モデ

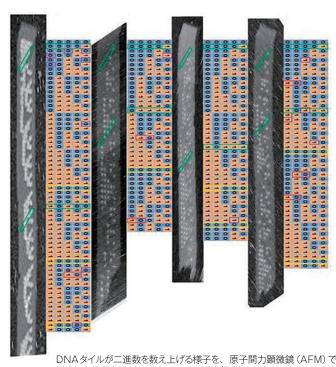
関助教の仕事です。分子機械の実

象」のことです。情報処理を伴う 何らかの秩序が生み出される現 ずに、分子間の相互作用によって

DNAタイルの自己組織化による二進数の 数え上げのイメージ

エンジニアリング、分子コンピュー ング、自己組織化、RNA折り紙、 コンピュータによる証明、最適化、計算 の難しさ

V) XEU C	
所 属	大学院情報理工学研究科 情報・ネットワーク工学専攻
メンバー	関 新之助 助教
所属学会	
E-mail	s.seki@uec.ac.jp



観察した結果(Constantine Evans博士提供)

た。 と一般に考えられている「NP完 た。関助教はこの問題が、 織化システムの設計最適化問題 全問題」であることを証明しまし な時間では解くことが困難である (2-PATS)」として知られていまし 実用的

いことが分かったのです。要する よって導くことは現実的には難し 数が膨大であることから、 するDNAタイルの組み合わせの ムの最適な設計法は、 つまり、パターン組織化システ それを構成 計算に

> 正統化したことになります。 さずに、「そこそこ良い」設計で作 ることこそが「最善である」ことを 実験者はベストな設計を目指

を異なる色で塗り分けられる」と の地図は、4色あれば隣同士の国 ンピュータによる証明は、 模に行われたということです。コ 4色定理」、 紙と鉛筆。で行われたものでは 加えて特筆すべきは、この証明 いわゆる数学者の武器である コンピュータを使って大規 すなわち、 「すべて 有名な

果は、 た。 年に初めて使われました。

RNA折り紙の数理モデル

す。 に行う、 ばかりです。 システムです。 テムです。 的に折り畳まる実用的な計算シス 酸 鎖から転写されたRNA(リボ核 計算できることを証明したことで NA折り紙」を数理モデルで表 ニアリングの最新技術である「R もう一つの成果は、ナノエンジ 一つで、コンセプト自体がまだ)の鎖が、 このモデルですべての関数を RNA折り紙とは、 実験では14年に成功した 1本鎖からなる革新的な 転写と折り畳みを同時 安定な構造へと自動 これも自己組織化 D N A の

関助教は米国の実験チームの依

いう問題を解くために、

の証明』と紹介されたのです。 速計算を行った結果、 こ10年ほどで大きく進歩しまし ある国際会議の抄録に掲載され、 フランスの科学雑誌で『史上最長 ンピュータを並列につないで超高 コンピュータによる証明は、 関助教は、 証明に成功しました。この成 理論計算機科学分野の権威 複数のスーパーコ 14年に見

ヒモが一本あればあらゆる計 さらにその計算能力も厳 極論すれ R N A

ることになるかも知れません。

のコンピュータの姿を大きく変え

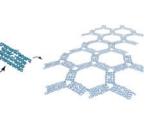
ひょっとすると将来、

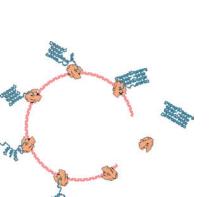
仝

のでしょうか。自然に学ぶ情報処 たら、どんな複雑な計算ができる

RNA折り紙で鶴を折っ

ば、 はヒモ状の物質であり、 提唱しました。RNAを折り畳か になるかも知れない」と考えてい ヒモを折り畳むだけでできるよう 教は「パソコンやスマートフォン 算ができることになります。関助 密に明らかにしたのです。 だけで計算が可能なことを数学的 デルとして「折り畳みシステム」を など、現代の人工的な情報処理も





RNA折り紙の構造イメージ (Cody Geary博士提供)

す。

から

コンピュータによる泥臭い証明

い、証明もある」と考え始めてお かっても解けない、そんな、泥臭 ピュータに任せなければ何百年か と言われます。これに対して、 しい結果には美しい証明がある」 教は「現実の世界には、 数学の世界ではしばしば、 コンピュータサイエンスの分 う新たな難問に挑んでいま コン 「美 関

取材・文=藤木信穂】